

Program of the symposium

“NEXT GENERATION SEQUENCING APPLICATIONS IN SCIENCE”

October 21st 2013 Royal Museum for Central Africa

- JEMU: <http://jemu.myspecies.info/about-jemu>
- BEBOL: <http://bebol.myspecies.info/>
- RBINS: <http://www.naturalsciences.be/>
- RMCA: <http://www.africamuseum.be/home>



Niet op de openbare markt te koop. Dit tijdschrift is uitgegeven door de uitgeverij 'Natura' te Brussel. De afbeeldingen zijn auteursrechtelijk beschermd. De afbeelding van de DNA-helix is afkomstig van de Wikimedia Commons. De afbeelding van de Afrikaanse kaart is afkomstig van de Wikimedia Commons. De afbeelding van de FWO-tekst is afkomstig van de Wikimedia Commons. De afbeelding van de BeBoL-tekst is afkomstig van de Wikimedia Commons. De afbeelding van de JEMU-tekst is afkomstig van de Wikimedia Commons. De afbeelding van de museum-tekst is afkomstig van de Wikimedia Commons. De afbeelding van de Africa-tekst is afkomstig van de Wikimedia Commons. De afbeelding van de belspo-tekst is afkomstig van de Wikimedia Commons. De afbeelding van de RBINS-tekst is afkomstig van de Wikimedia Commons. De afbeelding van de RMCA-tekst is afkomstig van de Wikimedia Commons. De afbeelding van de JEMU-tekst is afkomstig van de Wikimedia Commons. De afbeelding van de BEBOL-tekst is afkomstig van de Wikimedia Commons. De afbeelding van de RBINS-tekst is afkomstig van de Wikimedia Commons. De afbeelding van de RMCA-tekst is afkomstig van de Wikimedia Commons.

PROGRAM

12:30

Registration and coffee.

12:45

Opening of the seminar by **Dr. Marc DeMeyer**
(Head entomology section of the Royal Museum for
Central Africa and JEMU manager).

13:00-13:45

Dr. Jeroen Van Houdt (Genomics Core,
KULeuven – UZLeuven): *New sequencing technologies:
possibilities and limitations for archival DNA studies.*

14:00-14:45

Dr. Guus Roeselers (TNO Netherlands, Microbiology &
Systems Biology): *Probing diversity in a hidden world:
applications of next-generation sequencing in microbial
ecology.*

COFFEE BREAK

15:15-16:00

Dr. Frederik Hendrickx and **Dr. Carl Van Gestel**
(Entomology Department, Royal Belgian Institute of
Natural Sciences): *Applying NGS for exploring adaptive
genetic variation in non-model organisms.*

16:15-17:00

Dr. Koen De Gelas (Ecology, Evolution and Biodiversity
Conservation Section KULeuven & Royal Belgian
Institute of Natural Sciences): *Aspects of amplicon
sequencing using NGS.*

17:15-17:30

Discussion and closure:

Moderator: **Dr. Jeroen Van Houdt.**